

Harmonogram projektu:

Lp.	Nazwa zadania	Czas trwania zadania (w miesiącach)
1.	Zbieranie próbek krwi oraz osocza od uczestników badania	od 1 do 3
2.	Zbieranie danych klinicznych na temat pacjentów	od 1 do 9
3.	Izolacja DNA	od 4 do 6
4.	Genotypowanie metodą HRM i za pomocą sond TaqMan polimorfizmów genów <i>FOXO3A</i> , <i>IGFBP2</i> oraz <i>IGFBP3</i>	od 7 do 12
5.	Badania stężenia białek <i>FOXO3A</i> , <i>IGFBP2</i> oraz <i>IGFBP3</i> w osoczu metodą ELISA	od 11 do 13
6.	Genotypowanie metodą HRM i za pomocą sond TaqMan polimorfizmów genów <i>PCSK9</i> , <i>FABP1</i> , <i>ANGPTL8</i> oraz <i>ANGPTL6</i>	od 13 do 18
7.	Badania stężenia białek <i>PCSK9</i> , <i>FABP1</i> , <i>ANGPTL8</i> oraz <i>ANGPTL6</i> w osoczu metodą ELISA	od 17 do 19
8.	Uzupełnianie danych klinicznych na temat pacjentów oraz zbieranie dodatkowych próbek w przypadku braków	od 19 do 20
9.	Uzupełniające badania genotypów <i>FOXO3A</i> , <i>PCSK9</i> , <i>FABP1</i> , <i>IGFBP2</i> , <i>IGFBP3</i> , <i>ANGPTL8</i> oraz <i>ANGPTL6</i>	od 21 do 22
10.	Analiza statystyczna oraz opracowywanie uzyskanych wyników	od 23 do 30
11.	Publikowanie danych w formie publikacji oraz doniesień konferencyjnych	od 31 do 48